

氏名	所属	職名	取得学位	専門分野	主な論文・著作・業績
野中 孝昌	構造生物薬学講座	教授	博士（工学）	構造生物化学 物理系薬学	①Tamura, M., Kasai, K., Itagaki, T., Nonaka, T. and Arata, Y.: Identification of a second, non-conserved amino acid that contributes to the unique sugar binding properties of the nematode galectin LEC-1. / Biol. Pharm. Bull. 31: 1254-1257 (2008). ②Mizuno, R., Fukamizo, T., Sugiyama, S., Nishizawa, Y., Kezuka, Y., Nonaka, T., Suzuki, K. and Watanabe, T.: Role of the Loop Structure of the Catalytic Domain in Rice Class I Chitinase. / J. Biochem. 143: 487-495 (2008). ③Itagaki, T., Nishizaki, S., Sekihashi, K., Kobayashi, H., Kidokoro, S., Kezuka, Y., Arata, Y., Hirabayashi, J., Kasai, K. and Nonaka, T.: Crystallization and preliminary X-ray crystallographic analysis of galectin LEC-1 from Caenorhabditis elegans. / Prot. Pept. Lett. 15: 419-422 (2008). ④Kojima, M., Kezuka, Y., Nonaka, T., Hiragi, Y., Watanabe, T., Kimura, K., Takahashi, K., Yanagi, S. and Kihara, H.: SaxesMDView: a three-dimensional graphics program for displaying force vectors. / J. Synchrotron Radiat. 15: 535-537 (2008). ⑤文部科学省科学研究費補助金 基盤研究 (C) X線結晶解析・溶液散乱・MD計算の統合によるマルチドメインキチナーゼの構造と機能 2009年～2011年
関 安孝	構造生物薬学講座	講師	博士（工学）	生物物理学 生体生命情報学	①Seki, Y., Shimbo, Y., Nonaka, T., Soda, K.: A New Efficient Method for Generating Conformations of Unfolded Proteins with Diverse Main-Chain Dihedral-Angle Distributions / J. Chem. Theory Comput. 7:2126-2136(2011) ②Seki, Y., Tomizawa, T., Hiragi, Y., Soda, K.: Global structure analysis of acid-unfolded myoglobin with consideration to effects of intermolecular Coulomb repulsion on solution X-ray scattering / Biochemistry 46:234-244(2007) ③Seki, Y., Tomizawa, T., Khechinashvili, N. N., Soda, K.: Contribution of solvent water to the solution X-ray scattering profile of proteins / Biophys. Chem. 95: 235-252(2002) ④科学研究費補助金 「課題名: 溶液X線散乱とNMR残余双極子結合を用いた解けた状態のタンパク質の構造特性解析」 2010-2011年度 ⑤科学研究費補助金 「課題名: 溶液X線散乱法による天然解鎖蛋白質の精密構造解析」 2009-2010年度
毛塚 雄一郎	構造生物薬学講座	助教	博士（工学）	構造生物化学	①Kezuka, Y., Kojima, M., Mizuno, R., Suzuki, K., Watanabe, T. & Nonaka, T. Structure of full-length class I chitinase from rice revealed by X-ray crystallography and small-angle X-ray scattering Proteins 78, 2295-2305. (2010). ②Kezuka, Y., Yoshida, Y. & Nonaka, T. Crystallization and preliminary X-ray analysis of bG-S lyases from two oral streptococci. Acta Crystallogr. F 65, 874-877. (2009). ③Kezuka, Y., Ohishi, M., Itoh, Y., Watanabe, J., Mitsutomi, M., Watanabe, T. & Nonaka, T. Structural studies of a two-domain chitinase from Streptomyces griseus HUT6037. J. Mol. Biol. 358, 472-484. (2006). ④文部科学省科学研究費補助金 若手研究 (B) Fusobacteriumにおける硫化水素産生機構の分子構造基盤の確立 2011年度～ ⑤文部科学省科学研究費補助金 若手研究 (B) 口腔細菌による硫化水素産生機構の解明と酵素の立体構造に基づく新規口臭予防薬の探索 2009～2010年度

氏名	所属	職名	取得学位	専門分野	主な論文・著作・業績
阪本 泰光	構造生物薬学講座	助教	博士（薬学）	構造生物化学	<p>①Inoue, K., Tanaka, N., Haga, A., Yamasaki, K., Umeda, T., Kusakabe, Y., Sakamoto, Y., Nonaka, T., Deyashiki, Y. & Nakamura, KT. Crystallization and preliminary X-ray crystallographic analysis of human autotaxin. Acta Crystallogr. F 67, 450-453. (2011)</p> <p>②Sakamoto, Y., Ike, M., Tanaka, N., Suzuki, Y., Ogasawara, W., Okada, H., Nonaka T., Morikawa, Y. & Nakamura KT Crystallization and preliminary X-ray crystallographic studies of an exo-beta-D-glucosaminidase from Trichoderma reesei. Acta Crystallogr. F 66, 309-312. (2010)</p> <p>③Sakamoto, Y., Tanaka, N., Ichimiya, T., Kurihara, T. & Nakamura KT. Crystal structure of the catalytic fragment of human brain 2',3'-cyclic-nucleotide 3'-phosphodiesterase. J.Mol. Biol. 346, 789-800. (2005)</p> <p>④Sakamoto, Y., Tanaka, N., Ichimiya, T., Kurihara, T. & Nakamura KT. Crystallization and preliminary X-ray crystallographic studies of human 2',3'-cyclic nucleotide 3'-phosphodiesterase. Acta Crystallogr. D 60, 2095-2097. (2004)</p> <p>⑤文部科学省科学研究費補助金 若手研究 (B) 脳由来環状化ヌクレオチドホスホジエステラーゼの構造機能解析 2006~2008年度</p>